



ELSEVIER

Available online at www.sciencedirect.com

SCIENCE @ DIRECT®

C. R. Biologies 326 (2003) 1205–1211



Index des mots clés (vol. 326)

A

abondance – Ogasawara O., 1097
accident nucléaire – Galle P., 699
acide nucléique – Pochet S., 1175
acide tannique – Simmen B., 449
acides gras – Savelli J.-L., 543
activité humaine – Carpentier A., S166
activités humaines – Lefeuvre J.-C., S125
adaptation – Kergosien Y.L., 477
adaptation à la folivorie – Korzoun L.P., 75
ADN – Gunaratne P.H., 971
ADN mitochondrial – Hartl G.B., S37
ADNc complet – Hayashizaki Y., 923 – Han Z.-G., 949 – Wiemann S., 1003
ADNc complets – Dalla E., 967
ADNc de pleine longueur – Yamashita R., 987
ADNc humain complet – Minamikawa-Tachino R., 993
ADNc long – Nagase T., 959
adventices – Gibot-Leclerc S., 645
AFLP – Lucchini V., S43
Afrique centrale – Bauer H., S112
Afrique occidentale – Bauer H., S112
Agonidae – Greeff J.M., 121
âge – Savelli J.-L., 543
agrégation – Auger P., 517
ailes de papillon – Nijhout H.F., 717
aires protégées – Ramade F., S3
alloenzymes – Hartl G.B., S37
allostérie – Yonetani T., 523
allures – Abourachid A., 625
Alpes françaises – Rathgeber C., 305

amélioration des plantes – Durand-Tardif M., 23
amphibien – Montreau N., 1135
amplification – Montreau N., 1135
amplification d'ARN – Li J., 1021
analyse comparative de séquence génomique – Bellgard M., 1083
analyse de la locomotion – Abourachid A., 625
analyse de microréseaux – Bellgard M., 1083
analyse de viabilité – Chapron G., S174
analyse fonctionnelle – Dalla E., 967
analyse métabolique – Cornish-Bowden A., 509
analyse multi-tableaux (STATIS) – Gailhard I., 853
analyse pollinique – Ortu E., 631
analyse spatiale – Rathgeber C., 305
analyse stœchiométrique – Cornish-Bowden A., 509
anesthésie – Shulman R.G., 253
angiogénèse – Kergosien Y.L., 477
annotation fonctionnelle – Hayashizaki Y., 923
anthropisation – Fustec J., S192
antilopes – Mésochina P., S158
appareil hyoïdien – Korzoun L.P., 75
approche bayésienne – Foti B., 441
arbre – Kergosien Y.L., 477
ARN messenger – Gros F., 893
ArrayExpress – Rocca-Serra P., 1075
assurance qualité – Auffray C., 879
Asterionella formosa – Bertrand C., 107
attracteurs – Demongeot J., 171
autocatalyse – Buis R., 729

autoroute – Lesbarrères D., S68

B

baie du Mont-Saint-Michel – Eybert M.-C., S140 – Bouchard V., S148
base de données – Pollet N., 1011 – Rocca-Serra P., 1075 – Ikeo K., 1079
base de données intégrée – Hayashizaki Y., 923
bases de données biologiques – Basingthwaighte J.B., 1105
bassin d'infiltration d'eaux pluviales – Detry T., 589
bec – Korzoun L.P., 75
berges – Fustec J., S192
bifurcation – Kergosien Y.L., 477
biodisponibilité – Rey D., 317
biodiversité – Bertrand C., 107 – Ramade F., S3 – Currie D.J., S98 – Lemauviel S., S183
biodiversité fonctionnelle – Lefeuvre J.-C., S125
biogéographie – Gailhard I., 853
bioinformatique – Weinstein J.N., 909 – Sakabe N.J., 979
biologie de la conservation – Dubois A., S9
biologie systémique – Auffray C., 867 – Auffray C., 879
biologie systémique computationnelle – Basingthwaighte J.B., 1105
biomarqueur – Pain S., 659
bioprotection – Essalmani H., 1163
bioturbation – Detry T., 589
bivalves – Pain S., 659
blattes – Boyer S., S210
blé – Meynard J.-M., 37

boucle positive de rétroaction – D'Ari R., 215
boucles positives – Demongeot J., 171 – Demongeot J., 487
branchement des filaments – Carlier M.-F., 161
brevets – Straus J., 1111 – Eisenberg R., 1115
broutage – Derraz K., 761
bruit moléculaire – Gonze D., 189
Bufo bufo – Joly P., S132
Bythograea – Guinot D., 423
Bythograeidae – Guinot D., 423

C

cadmium – Chaffei C., 401
caille japonaise – Houdelier C., 371
calcul neuronal – Hopfield J.J., 219
cancer – Weinstein J.N., 909
cancer du côlon – Agrawal D., 1041
cancer du sein – Bertucci F., 1031
Canis lupus – Chapron G., 575
capture-marquage-recapture – Schmidt B.R., S119
cartographie génomique – Sakabe N.J., 979
castor – Fustec J., S192
Castor fiber – Fustec J., S192
catalase – Jouili H., 639
cellule – Raine D.J., 65
cellule dendritique – Strominger J.L., 1045
cellule NKT – Strominger J.L., 1045
cellule souche – Carter M.G., 931
cellule T – Strominger J.L., 1045
cerf rouge – Hartl G.B., S37
cerveau – Savelli J.-L., 543
Cervelet – Kato K., 941
champignon – Leroux P., 9
chaos – Gonze D., 189 – Kaufman M., 205
charge de surface – Sanfeld A., 141
chat sauvage – Randi E., S54
chemins audités – Bellgard M., 1083
chématonomie – Deydier-Stephan L., 95
chimie artificielle – Demarty M., 459
chitosane – Amborabé B.-E., 363
chlorophylle a – Deydier-Stephan L., 95

chlorophyllide a – Deydier-Stephan L., 95
cholestérol – Provost A.C., 841
ciblage de gène – Biet É., 51
ciliés – Derraz K., 761
cinétique de croissance – Buis R., 729
cinétique enzymatique – Thellier M., 149
circuits de rétroaction – Kaufman M., 205
classification de patterns – Minami-kawa-Tachino R., 993
clathrine – Fournier J.-B., 467
coiffe – Yamashita R., 987
Colubridae – de Haan C.C., 275 – de Haan C.C., 287
colza d'hiver – Gibot-Leclerc S., 645
communication acoustique – Mathévon N., 329
compétition locale pour les partenaires sexuels – Greeff J.M., 121
complémentarité inverse – Goldstein D.J., 339
complétude et exactitude taxinomique – Dubois A., S9
complexité génomique – Goldstein D.J., 339
comportement maternel – Wauters A.-M., 677
comportement social – Lodé T., S30
comportements de marquage chimique – de Haan C.C., 275
composition biochimique – Derraz K., 761
conférence – Auffray C., 867
connectivité – Raine D.J., 65 – Baguette M., S200
connexité – Joly P., S132
consanguinité – Lodé T., S30 – Lesbarrères D., S68
conscience – Shulman R.G., 253
consentement éclairé – Mayor F., 1121
conservation – Chapron G., 575 – Peltier D., S49 – Byrne M., S73 – Pagano A., S85 – Baguette M., S200
conservation génétique – Randi E., S54
consortium – Auffray C., 867

contexte alimentaire – Wauters A.-M., 677
contrôle – Chapron G., 575
contrôle de l'expression génique – Bassingthwaighte J.B., 1105
conversion de base – Gott J.M., 901
coopérativité – Yonetani T., 523
cordycépine – Montreau N., 1135
Coris julis – Aurelle D., 771
côtes françaises – Gailhard I., 853
crabe – Guinot D., 423
cri d'offrande alimentaire – Wauters A.-M., 677
crise de la taxinomie – Dubois A., S9
critères génotypiques – Yong Z., 565
culture des cellules – Murray J.D., 239
cyanobactéries – Rabouille S., 349
cycle du glyoxylate – Ranaldi F., 553
cytochrome b – Debruyne R., 687
cytochrome oxydase I – Guinot D., 423
cytologie – Hennequin S., 599
cytométrie en flux – Grégori G., 739

D

Daphnia – Cellier-Michel S., 1157
débouchés infralabiaux périodiques – de Haan C.C., 275
déclin – Peltier D., S49
déclin des populations d'amphibiens – Schmidt B.R., S119
définition des objets – Hopfield J.J., 219
délétion de nucléotide – Gott J.M., 901
démographie – Schmidt B.R., S119
dendrochronologie – Rathgeber C., 305
dénombrément – Schmidt B.R., S119
dents – Foti B., 441
dépression de consanguinité – Frankham R., S22
désert – Mésochina P., S158
dessin des médicaments – Cornish-Bowden A., 509
détermination de l'âge – Foti B., 441
développement – Pollet N., 1011 – Montreau N., 1135
développement industriel – Auffray C., 867
développement pré-implantatoire – Carter M.G., 931

différenciation génétique – Lenfant P., 751
Diplodus sargus – Lenfant P., 751
dispersion – Greeff J.M., 121
distribution – Schmidt B.R., S119
divergence nucléaire – Guinot D., 423
diversité génétique – Frankham R., S22 – Hartl G.B., S37
diversité végétale – Bouchard V., S148
DNA polymérase – Pochet S., 1175
dorsale du Pacifique oriental – Guinot D., 423
double voix – Mathevon N., 329
droit des brevets – Lenoir N., 1127
Droits de l'homme – Mayor F., 1121
dune – Lemauviel S., S183
dynamine – Fournier J.-B., 467
dynamique de population – Schmidt B.R., S119
dynamique du paysage – Baguette M., S200

E

échelle du paysage – Bertrand C., 107
éclairage constant – Cellier-Michel S., 1157
écologie de la conservation – Ramade F., S3
écologie du paysage – Joly P., S132
écologie forestière – Rathgeber C., 305
écosystème côtier intertidal conchylicole – Méléder V., 377
édition d'ARN – Gott J.M., 901
effecteurs hétérotropiques – Yonetani T., 523
effectif de voisinage – Lodé T., S30
effet réserve – Lenfant P., 751
efficacité de rétention – Dubois S., 413
éléments finis – Nijhout H.F., 717
éléphant nain – Debruyne R., 687
éléphant pygmée – Debruyne R., 687
éliciteur – Amborabé B.-E., 363
éloignement de la chaussée – Lesbarrères D., S68
embryon – Carter M.G., 931
émergence – Ricard J., 133

α-ENaC – Malbert-Colas L., 615
enclave génétique – Pochet S., 1175
encyclopédie du génome de la souris – Hayashizaki Y., 923
endocytose – Fournier J.-B., 467
énergie – Shulman R.G., 253
enfants – Foti B., 441
engrais enrichi en ¹⁵N – Ichir L.L., 391
ennemis des plantes – Bonnemain J.-L., 1
EnsMart – Hide W., 1089
enzymes immobilisées – Thellier M., 149
épigénèse – Kergosien Y.L., 477
ergostérol – Amborabé B.-E., 363
espèce en danger – Uphyrkina O., S93
espèce menacée – Biggins D.E., S104 – Carpentier A., S166
espèces bioindicatrices – Nahmani J., 295
espèces en danger – Frankham R., S22 – Lodé T., S30
espèces invasives – Boyer S., S210
essai cellulaire – Wiemann S., 1003
EST – Hide W., 1089
ESUs – Byrne M., S73
étendue de la protection – Straus J., 1111 – Eisenberg R., 1115
éthique – Mayor F., 1121 – Lenoir N., 1127
éthique et société – Bassingthwaighte J.B., 1105
étiquette d'ADNc – Han Z.-G., 949
étiquette SAGE – Ikeo K., 1079
étiquettes ORESTES – Sakabe N.J., 979
Europe – Chapron G., 575
eutrophisation – Rabouille S., 349
évolution – Kergosien Y.L., 477
expertise – Frankham R., S22
exposition à un stress environnemental – Pain S., 659
expression – Ogasawara O., 1097
expression génique – Pollet N., 1011 – Bertucci F., 1031 – Ikeo K., 1079 – Hide W., 1089
Expression Profiler – Rocca-Serra P., 1075
expression protéique – Wiemann S., 1003

extinction – Frankham R., S22
extinction des espèces – Dubois A., S9

F

Ficus – Greeff J.M., 121
filtrat de culture – Essalmani H., 1163
filtration – Dubois S., 413
fitness reproductive – Frankham R., S22
flottaison – Rabouille S., 349
flux de gènes – Aurelle D., 771
flux de H⁺ – Amborabé B.-E., 363
flux intersystèmes – Lefeuvre J.-C., S125
fMRI – Shulman R.G., 253
fonction discriminante – Foti B., 441
fonction intégrale de la notion d'invention – Straus J., 1111
fonctionnement cérébral – Shulman R.G., 253
fungicide – Leroux P., 9
formation de motifs de couleur – Nijhout H.F., 717
formation des motifs – Murray J.D., 239
fossettes pariétales organoïdes sporadiques – de Haan C.C., 287
fractal – Kergosien Y.L., 477
fréquence – Ogasawara O., 1097
fréquence d'irrigation – Ichir L.L., 391
fructose – Simmen B., 449
furet à pieds noirs – Biggins D.E., S104
fusariose – Essalmani H., 1163

G

Gallus gallus domesticus – Wauters A.-M., 677
gène – Eisenberg R., 1115
GeneCards – Shmueli O., 1067
gènes de ménage – Yamashita R., 987
génétique – Mayor F., 1121
génétique de la conservation – Uphyrkina O., S93
génétique des populations – Aurelle D., 771 – Pierpaoli M., S80
génie génétique – Durand-Tardif M., 23
génom – Lenoir N., 1127

génomme humain – Nagase T., 959 – Mayor F., 1121
génomique – Weinstein J.N., 909 – Carter M.G., 931
génomique fonctionnelle – Auffray C., 867 – Auffray C., 879 – Minamikawa-Tachino R., 993 – Wiemann S., 1003 – Pollet N., 1011
germination – Ranaldi F., 553
gestion – Carpentier A., S166
gestion conservatoire – Lemauviel S., S183
Gierer–Meinhardt – Nijhout H.F., 717
goéland – Mathevon N., 329
Gorilla – Simmen B., 449
goulot d'étranglement – Guinand B., S61
grenouilles vertes – Pagano A., S85
groupes de synexpression – Pollet N., 1011
guenon – Lemasson A., 1185
Guyane française – Lourenço W.R., 1149

H

habitat côtier – Bouchard V., S148
halophytes – Bouchard V., S148
***Helianthus annuus* L.** – Jouilli H., 639
hémipénis – de Haan C.C., 275
hémoglobine – Yonetani T., 523 – Herold S., 533
hétérozygotie – Lesbarrères D., S68
hexitol – Pochet S., 1175
hiérarchie – Auger P., 517
histoire – Ortu E., 631
HNA – Pochet S., 1175
hoazin – Korzoun L.P., 75
holoparasite – Gibot-Leclerc S., 645
homme – Ortu E., 631
humicole – Lourenço W.R., 1149
hybridation – Lucchini V., S43 – Randi E., S54
hybridation in situ – Pollet N., 1011
hybridogénèse – Pagano A., S85
hydrates de carbone – Rabouille S., 349
Hymenophyllum – Hennequin S., 599
hypergravitation – Ranaldi F., 553
hyperstructures – Demarty M., 459

hypertension – Savelli J.-L., 543

I

identification – Yong Z., 565
images *bio-array* – Demongeot J., 487
information – Ricard J., 133 – Eisenberg R., 1115
ingénierie métabolique – Bassingthwaighte J.B., 1105
inhibition incompétitive – Cornish-Bowden A., 509
insecticides conventionnels – Rey D., 317
insertion – Gott J.M., 901
intégration – Auffray C., 879
intégration aléatoire – Biet É., 51
interactions entre inclusions membranaires – Fournier J.-B., 467
interdisciplinarité – Auffray C., 879
introduction – Pagano A., S85
introgression – Pagano A., S85
invention – Lenoir N., 1127
inversions génomiques – Goldstein D.J., 339
invertébrés du sol – Nahmani J., 295
iodure de propidium – Grégori G., 739
isocitrate lyase – Ranaldi F., 553

K

Karl Popper – Currie D.J., S98

L

La Réunion – Boyer S., S210
larves de moustiques – Rey D., 317
lentille (*Lens culinaris*) – Essalmani H., 1163
lentique – Deydier-Stephan L., 95
Lepus – Pierpaoli M., S80
liens sociaux – Lemasson A., 1185
lignées cellulaires NCI-60 – Weinstein J.N., 909
limicoles hivernants – Eybert M.-C., S140
lion – Bauer H., S112
litière toxique – Rey D., 317
localisation des gîtes – Fustec J., S192

localisation des protéines – Minamikawa-Tachino R., 993
loi de Zipf – Ogasawara O., 1097
Loire – Fustec J., S192
loup – Chapron G., 575 – Randi E., S54
loutre – Randi E., S54
Loxodonta africana – Debruyne R., 687
Loxodonta cyclotis – Debruyne R., 687
Loxodonta pumilio – Debruyne R., 687
lutte biologique – Rey D., 317

M

MAGE-ML – Rocca-Serra P., 1075
maladie à triplets répétés – Kato K., 941
Mammalian Gene Collection – Gunaratne P.H., 971
marais salés – Bouchard V., S148
matrice d'interaction inter-génique – Demongeot J., 487
matrice d'interaction intergénique – Demongeot J., 171
Mayotte – Boyer S., S210
MDMX – Pain S., 659
MEB – Lourenço W.R., 1149
médicaments – Bassingthwaighte J.B., 1105
méganucléases chimériques – Biet É., 51
mer Méditerranée – Grégori G., 739
mésocosme – Deydier-Stephan L., 95
métabolisme azoté – Chaffei C., 401
métapopulation – Baguette M., S200
métaux lourds – Nahmani J., 295
méthode des sous-espaces – Minamikawa-Tachino R., 993
MIAME standard – Rocca-Serra P., 1075
Microcystis – Rabouille S., 349
microphytobenthos – Méléder V., 377
microphytoplancton – Gailhard I., 853
microréseaux – Gros F., 893 – Carter M.G., 931 – Li J., 1021 – Bertucci F., 1031 – Agrawal D., 1041 – Zhao P., 1049 – Shmueli O., 1067 – Rocca-Serra P., 1075 – Ikeo K., 1079 – Hide W., 1089

microsatellites – Aurelle D., 771 – Hartl G.B., S37 – Peltier D., S49 – Guinand B., S61
migrations – Cellier-Michel S., 1157 – Joly P., S132
Mimosa pudica – Amborabé B.-E., 363
mobilité cellulaire – Carlier M.-F., 161
mode d'action – Leroux P., 9
modèle d'allostérie global – Yonetani T., S23
modèle de mutation – Guinand B., S61
modèle logistique – Buis R., 729
modèle MWC – Yonetani T., S23
modélisation – Rabouille S., 349 – Demarty M., 459 – Auffray C., 879
modélisation démographique – Chapron G., S75
morphologie – Hennequin S., 599
morphologie fonctionnelle – Korzoun L.P., 75
motifs complexes – Meinhardt H., 223
motifs en forme d'œil – Nijhout H.F., 717
multistationnarité – Kaufman M., 205
Mustela lutreola – Lodé T., S30
Mustela putorius – Lodé T., S30
Mustelidae – Lodé T., S30
MXR – Pain S., 659
MyoD – Zhao P., 1049

N

nacré de la bistorte – Baguette M., S200
Nedd4-2 – Malbert-Colas L., 615
neurophysiologie – Shulman R.G., 253
neurostéroïdes – Provost A.C., 841
niveau populationnel – Bertrand C., 107
nouveau genre et espèce – Lourenço W.R., 1149

O

œil – Provost A.C., 841 – Cellier-Michel S., 1157

oiseaux – Korzoun L.P., 75
oiseaux coloniaux – Mathevon N., 329
Oligochaeta – Detry T., 589
oligonucléotides chimériques (RDO, ODN) – Biet É., 51
oligonucléotides formant des triples-hélices (TFO) – Biet É., 51
oncogénèse – Bertucci F., 1031
ontologie – Hide W., 1089
Ontologie MGED – Rocca-Serra P., 1075
opérons – Demongeot J., 487
organisme modèle – Han Z.-G., 949
organites cellulaires – Sanfeld A., 141
orientation chémo-tactique – Meinhardt H., 223
Orobancha ramosa L. – Gibot-Leclerc S., 645
oryx d'Arabie – Mésochina P., S158
Oryx leucoryx – Mésochina P., S158
oscillations électriques – Thellier M., 149
ostéopontine – Agrawal D., 1041
ours brun – Randi E., S54 – Chapron G., S174
oxyde nitrique – Herold S., 533
oxygène – Yonetani T., 523

P

P-glycoprotéine – Pain S., 659
PAL – Jouili H., 639
Pammophiini – de Haan C.C., 275 – de Haan C.C., 287
Pan – Simmen B., 449
Panthera pardus – Uphyrkina O., S93
Papilio dardanus – Nijhout H.F., 717
papille sensorielle – Lourenço W.R., 1149
paradigme du stride – Abourachid A., 625
paramètres environnementaux – Rey D., 317
parasitisme – Gibot-Leclerc S., 645
partenariat – Auffray C., 867
PC12 – Kato K., 941
PCR compétitive avec adaptateur marqué – Kato K., 941
Pediculus humanus – Yong Z., 565
peigne – Lourenço W.R., 1149
peroxydases – Jouili H., 639
perte d'habitat – Currie D.J., S98
perturbation – Rathgeber C., 305 – Eybert M.-C., S140
perturbation humaine – Boyer S., S210
perturbation hydrodynamique anthropique – Bertrand C., 107
perturbations – Lemauviel S., S183
peste – Biggins D.E., S104
petits fragments de remplacement homologue (SFHR) – Biet É., 51
phage λ – D'Ari R., 215
pharmacologie – Weinstein J.N., 909
phase ouverte de lecture – Yamashita R., 987
phyllotaxie – Meinhardt H., 223
phylogénétique – Byrne M., S73
phylogénie moléculaire – Debruyne R., 687
phylogéographie – Lucchini V., S43 – Randi E., S54
physiome – Bassingthwaighte J.B., 1105
phytoplankton – Derraz K., 761
pigments – Cellier-Michel S., 1157
pin à crochets – Rathgeber C., 305
Pinus pinea – Ranaldi F., 553
pipeline d'analyse bioinformatique – Bellgard M., 1083
plasticité morphologique – Bertrand C., 107
Poitou-Charentes – Gibot-Leclerc S., 645
polluants – Chassagnole C., 501
pollution – Nahmani J., 295
polychète – Dubois S., 413
polymérisation de l'actine – Carlier M.-F., 161
Pongo – Simmen B., 449
ponte – Houdelier C., 371
population cellulaire – Buis R., 729
Postglaciaire – Ortu E., 631
potentiel membranaire – Amborabé B.-E., 363
pratiques agricoles – Meynard J.-M., 37
priorités de conservation – Byrne M., S73
probabilité de détection – Schmidt B.R., S119

produits agrochimiques – Bonne-main J.-L., 1
profils d'expression – Li J., 1021 – Strominger J.L., 1045 – Zhao P., 1049 – Shmueli O., 1067
profils d'expression génique – Kato K., 941
projet Génome humain – Han Z.-G., 949
pronostic – Bertucci F., 1031
propension – Currie D.J., S98
propriété intellectuelle – Eisenberg R., 1115
protection intégrée – Meynard J.-M., 37
protéine CII – D'Ari R., 215
protéine fluorescente – Minamikawa-Tachino R., 993
protéomique – Weinstein J.N., 909 – Wiemann S., 1003
Pyrénées – Chapron G., S174

Q

quadrupèdes – Abourachid A., 625

R

radioécologie – Galle P., 699
radiotoxicologie – Galle P., 699
ramification – Kergosien Y.L., 477
Rana dalmatina – Lesbarrères D., S68
rapport M – Guinand B., S61
réaction en milieu partiellement aqueux/partiellement hydrophobe – Thellier M., 149
réaction-diffusion – Nijhout H.F., 717
réactivité chimique – Sanfeld A., 141
recherche en biologie – Ramade F., S3
récif – Dubois S., 413
recombinaison homologue – Biet É., S1
reconnaissance de l'individu – Mathévon N., 329
% recouvrement de ¹⁵N – Ichir L.L., 391
régénération musculaire – Zhao P., 1049

région de contrôle – Debruyne R., 687
région de contrôle de l'ADNmt – Pierpaoli M., S80
regroupement – Zhao P., 1049
régulation génétique – D'Ari R., 215
régulons – Demongeot J., 171
réintroduction – Uphyrkina O., S93
renforcement – Chapron G., S174
réponse immunitaire – Strominger J.L., 1045
réseau – Raine D.J., 65
réseau de régulation génétique – Demongeot J., 171
réseau génétique – Demongeot J., 487
réseaux autocatalytiques – Demarty M., 459
réseaux complexes – Ricard J., 133
réseaux trophiques – Lefeuvre J.-C., S125
réservoir – Derraz K., 761
résidus de blé – Ichir L.L., 391
résistance – Leroux P., 9
résistance aux maladies – Durand-Tardif M., 23
restauration – Biggins D.E., S104 – Lemauviel S., S183
rétime – Provost A.C., 841
réversibilité – Chaffei C., 401
Rhizobium leguminosarum – Essalmani H., 1163
Rhizobium tué – Essalmani H., 1163
ride des Galapagos – Guinot D., 423
rivalité entre frères – Greeff J.M., 121
robustesse – Gonze D., 189
rythme – Houdelier C., 371
rythmes circadiens – Gonze D., 189

S

S-nitroso-hémoglobine – Herold S., S33
Sabellaria alveolata – Dubois S., 413
SAGE – Hide W., 1089
Salvelinus namaycush – Guinand B., S61
sar commun – Lenfant P., 751
scorpion – Lourenço W.R., 1149
sédiments profonds – Detry T., 589

sélection de parentèle – Greeff J.M., 121
séquençage – Nagase T., 959
séquençage d'ADNc par concaténation – Gunaratne P.H., 971
séquences d'ADN – Straus J., 1111
séquences nucléotidiques – Yong Z., S65
Serpentes – de Haan C.C., 275 – de Haan C.C., 287
seuils gustatifs – Simmen B., 449
similarité vocale – Lemasson A., 1185
simulation du métabolisme – Chasagnole C., S01
simulations stochastiques – Gonze D., 189
site de démarrage de la transcription – Yamashita R., 987
sites hydrothermaux – Guinot D., 423
SOD – Jouili H., 639
splicing alternatif – Sakabe N.J., 979
SR-BI – Provost A.C., 841
StAR – Provost A.C., 841
structure de la végétation – Fustec J., S192
structure démographique – Lenfant P., 751
structure temporelle de croissance – Buis R., 729
substitution – Gott J.M., 901
succès de réintroduction – Mésochina P., S158
SYBR Green – Grégori G., 739
synchronisation – Houdelier C., 371
synthèse ARN polymérase-ARN dépendante – Montreau N., 1135
systématique – Hennequin S., 599
système de culture – Meynard J.-M., 37
système double hybride – Malbert-Colas L., 615
système dynamique – Auger P., 517
systèmes artificiels de transport – Thellier M., 149
systèmes d'aide à la décision – Meynard J.-M., 37
systèmes vivants – Sanfeld A., 141

T

taxinomie – de Haan C.C., 275 – Frankham R., S22 – Pierpaoli M., S80

taxonomie – Yong Z., 565
Tchernobyl – Galle P., 699
téledétection visible-infrarouge – Méléder V., 377
tension de surface – Sanfeld A., 141
théorie du contrôle du métabolisme – Chassagnole C., 501
théorie mécanique – Murray J.D., 239
thermodynamique – Raine D.J., 65
thréonine – Chassagnole C., 501
tissus humains normaux – Shmueli O., 1067
tomate – Chaffei C., 401
traitement d'image – Minamikawa-Tachino R., 993
transcription – Gros F., 893
transcriptome – Auffray C., 867 – Gros F., 893 – Gunaratne P.H., 971 – Pollet N., 1011 – Shmueli O., 1067 – Ogasawara O., 1097
transcriptome humain – Dalla E., 967 – Sakabe N.J., 979
transcrits humains – Nagase T., 959
treadmilling (tapis rouant) – Carlier M.-F., 161
TSG101 – Malbert-Colas L., 615

« **two-bottle test** » – Simmen B., 449

U

UBC9 – Malbert-Colas L., 615
Ursus arctos – Chapron G., S174
utilisation alternative d'exon – Sakabe N.J., 979
utilisation de l'habitat – Carpentier A., S166

V

valeur d'indices – Schmidt B.R., S119
valeur phylogénétique – Byrne M., S73
vallée alluviale – Joly P., S132
variabilité temporelle – Gailhard I., 853
variables globales – Auger P., 517
variables intensives et extensives – Raine D.J., 65
vasières côtières – Eybert M.-C., S140
végétation – Ortu E., 631 – Lemauviel S., S183

viabilité bactérienne – Grégori G., 739

vidéo-prospection – Detry T., 589
vie – Raine D.J., 65 – Lenoir N., 1127
vigne – Meynard J.-M., 37
vison d'Europe – Peltier D., S49
vocabulaire contrôlé – Hide W., 1089
voie de biosynthèse – Chassagnole C., 501

W

WWP1 – Malbert-Colas L., 615

X

Xenopus laevis – Pollet N., 1011

Z

zone humide – Lefeuvre J.-C., S125 – Eybert M.-C., S140 – Carpentier A., S166
zooplancton crustacé – Derraz K., 761